

## Inhaltsverzeichnis

1. Hinweise für den Einsender .....	2
2. Kontaktinformationen.....	2
3. Zytomorphologie .....	3
4. Immunphänotypisierung .....	4
5. Zytogenetik.....	8
6. Molekulargenetik .....	17

Unter den Link [Hämatologisches Diagnostiklabor](#) werden folgende Informationen zur Verfügung gestellt:

- Informationen für Einsender/ Untersuchungsaufträge
  - Wichtige Informationen für Einsender
  - Aktueller Anforderungsschein für die angebotenen Leistungen des Labors
  - Versandadresse des Hämatologischen Diagnostiklabors
  - Informationen zur Probenannahme
- Zertifizierungen
- Informationen zu den Teillaboren Zytomorphologie / Immunphänotypisierung / Zytogenetik / FISH / Molekulargenetik/ NGS
  - Beschreibung der Tätigkeit im jeweiligen Teillabor
  - Angaben zu den angewendeten Untersuchungsverfahren
  - Angaben zur Bereichsleitung und den MitarbeiterInnen
  - Telefonnummern

<p>Universitätsklinikum Leipzig AöR Medizinische Klinik und Poliklinik I <b>Laborbereich Hämatologische Diagnostik</b> Johannisallee 32 A 04103 Leipzig Fax: 0341 - 97 13089</p>	<p><b>Dr. rer. nat. Enrica Bach</b> <i>Wissenschaftliche Laborleiterin</i> Telefon: 0341 - 97 13082</p> <p><b>Franziska Kießling</b> <i>Qualitätssicherung</i> Telefon: 0341 - 97 22722</p> <p><b>Labor Zytomorphologie</b> Tel.: 0341 / 97-13085</p> <p><b>Labor Immunphänotypisierung</b> Tel.: 0341 / 97-13056</p>	<p><b>Prof. Dr. med. Klaus Metzeler</b> <i>Ärztlicher Laborleiter</i> Telefon: 0341 - 9720130</p> <p><b>Labor Zytogenetik/ FISH</b> Tel.: 0341 / 97-13057</p> <p><b>Labor Molekulargenetik/ NGS</b> Tel.: 0341 / 97-13053</p>
--	---	---

## 3. Zytomorphologie

Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode / Untersuchungstechnik	Ansatz -tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestellnummer)
Differentialblutbild	peripheres Blut	antikoaguliert mit EDTA oder luftgetrocknete Ausstriche	Pappenheim-Färbung	Mo-Fr	LDT	Differentialblutbild
Peroxidase-Färbung	peripheres Blut, Knochenmark	antikoaguliert mit EDTA oder luftgetrocknete Ausstriche	Peroxidase-Färbung (Diaminobenzidin)	Mo-Fr	LDT	Peroxidase-Färbung
KM-Zytologie	Knochenmark	antikoaguliert mit EDTA oder luftgetrocknete Ausstriche/ Quetschpräparate	Pappenheim-Färbung	Mo-Fr	LDT	KM-Zytologie
Eisenfärbung (Berliner Blau)	Knochenmark	antikoaguliert mit EDTA oder luftgetrocknete Ausstriche/Quetschpräparate	Berliner-Blau-Färbung	Mo-Fr	LDT	Eisenfärbung (Berliner Blau)

## 4. Immunphänotypisierung

Untersuchungsverfahren / Analyt / Messgröße	Untersuchungs- material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz -tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestellnummer)
<b>Screening, myeloische Blasten:</b> CD33, CD34, CD45, CD117, CD123	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	bei AML-Verläufen	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>MDS Diagnostik (Ogata + RED Score):</b> CD7, CD10, CD11b, CD13, CD14, CD15, CD16, CD33, CD34, CD36. CD38, CD45, CD56, CD64, CD71, CD105, CD117, CD235a, HLA-DR	Knochenmark	nur bei MDS Erstdiagnose, bei unklarer Zytopenie	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>Screening Akute Leukämie (myeloisch, lymphatisch):</b> CD7, CD19, CD13, CD33, CD34, CD45, CD117, HLA-DR, cyCD3, cyTdT, cyMPO, cyCD79a	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	-	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>AML Subtypisierung (B-lymphatische Ko-Expression):</b> CD10, CD14, CD15, CD20, CD45, CD64, CD123 <b>ODER AML Subtypisierung (T-lymphatische Ko-Expression):</b> CD2, CD5, CD8, CD10, CD14, CD45, CD64, CD123	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	nachfolgend auf Screening Akute Leukämie	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.

Immunphänotypisierung						
Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz -tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestellnummer)
<b>B-ALL Subtypisierung:</b> CD10, CD13, CD19, CD20, CD22, CD33, CD34, CD38, CD45, CD117, HLA-DR, IgM, cyCD79a, cylgM	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	nachfolgend auf Screening Akute Leukämie	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>AML Subtypisierung (B-lymphatische Ko-Expression):</b> CD10, CD14, CD15, CD20, CD45, CD64, CD123 ODER AML Subtypisierung (T-lymphatische Ko-Expression): CD2, CD5, CD8, CD10, CD14, CD45, CD64, CD123	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	nachfolgend auf Screening Akute Leukämie	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>B-ALL Subtypisierung:</b> CD10, CD13, CD19, CD20, CD22, CD33, CD34, CD38, CD45, CD117, HLA-DR, IgM, cyCD79a, cylgM	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	nachfolgend auf Screening Akute Leukämie	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>T-ALL Subtypisierung:</b> CD1a, CD2, CD3, CD4, CD5, CD7, CD8, CD10, CD13, CD33, CD34, CD45, CD117, HLA-DR, TCRgd, cyCD3	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	nachfolgend auf Screening Akute Leukämie	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.

## Immunphänotypisierung

Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
<b>T-ALL Subtypisierung:</b> CD1a, CD2, CD3, CD4, CD5, CD7, CD8, CD10, CD13, CD33, CD34, CD45, CD117, HLA-DR, TCRgd, cyCD3	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	nachfolgend auf Screening Akute Leukämie	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>MPN / CMML:</b> CD11b, CD13, CD14, CD15, CD16, CD33, CD34, CD38, CD45, CD56, CD64, CD117, CD123, HLA-DR	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	nachfolgend auf Screening Akute Leukämie bei myelomonozytärer Konstellation	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>Lymphom-Screening:</b> CD3, CD4, CD5, CD8, CD10, CD19, CD20, CD22, CD56, Kappa, Lambda, TCRgd	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	bei unklarer Zytopenie/Leukozytose	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>B-NHL Subtypisierung:</b> CD5, CD11c, CD19, CD20, CD23, CD25, CD38, CD45, CD79b, CD103, CD200	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	nachfolgend auf Lymphom-Screening	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>T-NHL / T-LGLL Subtypisierung:</b> CD2, CD3, CD4, CD5, CD7, CD8, CD10, CD16, CD19, CD26, CD30, CD45, CD45RA, CD45RO, CD56, CD57, TCRgd, TRBC1	peripheres Blut, Knochenmark, Liquor, Aszites, Perikard	nachfolgend auf Lymphom-Screening	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.

Immunphänotypisierung						
Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
<b>Plasmazellen / Multiples Myelom:</b> CD19, CD38, CD45, CD56, CD138, BCMA, cyCD19, cyKappa, cyLambda	Knochenmark (peripheres Blut, Liquor, Aszites, Perikard)	bei MGUS/ Vd. MM anhand KM, nur bei PZ-Leukämie an PB oder sonstigem Material	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>PNH:</b> CD14, CD15, CD33, CD45, CD55, CD59, CD64, CD66b, CD71, CD157, FLAER	peripheres Blut	-	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>Mastozytose:</b> CD2, CD14, CD16, CD25, CD34, CD45, CD117, CD203c	peripheres Blut, Knochenmark	-	relative Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>Quantifizierung Lymphozyten-Subpopulationen / Immunstatus:</b> CD3, CD4, CD8, CD16, CD19, CD45, CD56, HLA-DR	peripheres Blut	-	absolute Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.
<b>Quantifizierung CD34+ Zellen inkl. Vitalität bei Stammzell-Apherese:</b> CD34, CD45, 7-AAD	peripheres Blut, Knochenmark, Apheresat	-	absolute Quantifizierung	Mo-Fr	BD Biosciences	Stem Cell Enumeration Kit, 344563
<b>Quantifizierung CD3+ T-Zell-Subpopulationen inkl. Vitalität bei Lymphozyten-Apherese:</b> CD3, CD4, CD8, CD19, CD27, CD28, CD45, 7-AAD	peripheres Blut, Apheresat	-	absolute Quantifizierung	Mo-Fr	LDT	k.A.

## 5. Zytogenetik

Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
Chromosomenbandenanalyse	Heparin-Knochenmark (ggf. Heparin Blut, je nach Infiltration). Kein EDTA!	nicht zutreffend	Reverse R-Bänderungstechnik	Mo-Fr	-	-
CLL-Risikostratifizierung (ATM (11q22.3), TP53 (17p13))	Heparin-Knochenmark oder -Blut	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	siehe FISH-Sonden	siehe FISH-Sonden
DSP30 - stimulierte Langzeitkultur bei CLL (B-Zell-Stimulation) mit anschließender Chromosomenanalyse	Heparin-Knochenmark oder -Blut. Kein EDTA!	nicht zutreffend	Reverse R-Bänderungstechnik	Mo-Mi	-	-
Risikostratifizierung Multiples Myelom (Plasmazellen-Anreicherung, DLEU, TP53, 1p/1q, IGH, ggf. Stufendiagnostik bei IGH Split, XL 5p15 / 9q22 / 15q22 Hyperdiploidy wenn alles neg.)	Heparin-Knochenmark oder -Blut	nicht zutreffend	MACS Sortierung CD138+ & FISH	Mo-Fr	Miltenyi (MACS)	CD138 MicroBeads
PHA-stimulierte Langzeitkultur bei T-Zellerkrankungen mit anschließender Chromosomenanalyse	Heparin-Knochenmark oder -Blut. Kein EDTA!	nicht zutreffend	Reverse R-Bänderungstechnik	Mo, Di, Fr	-	-

Zytogenetik

Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
XL CDKN2C/CKS1B	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5099-100-OG
XL MECOM	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5059-100-OG
XL t(3;3) GATA2/MECOM DF	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5124-100-OG
XL BCL6 BA	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-6016-100-OG
XL 4q12	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5063-100-TC
XL TET2	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5038-100-OG
XL 5q32 PDGFRB BA	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5104-100-OG

Zytogenetik						
Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs- material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz- tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
XL5q31	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5066-100-OG
XL 5q31/5q33	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5042-100-OG
XL 5p15 / 9q22 / 15q22 Hyperdiploidy	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5095-100-TC
XL 6q21/q23	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5039-100-OG
XL t(6;9) DEK/NUP214	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5097-100-OG
XL 7q22/7q36	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5043-100-TC
XL del(7)(q22q31)	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5068-100-TC

## Zytogenetik

Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
XL t(8;21) plus	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5114-100-OG
XL FGFR1	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5041-100-OG
XL MYC amp	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-6008-100-OG
XL MYC BA	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-6023-100-OG
XL BCR/ABL1 plus	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5052-100-OG
XL CDKN2A	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5053-100-OG
XL NUP98	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5077-100-OG

## Zytogenetik

Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
XL t(9;11) MLL3/KMT2A DF	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5133-100-OG
XL JAK2BA	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5098-100-OG
XL ATM/11cen	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5102-100-OG
XL KMT2A BA	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5090-100-OG
XL t(12;21) ETV6/ RUNX1 DF	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5115-100-OG
XL ETV6	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5073-100-OG
XL DLEU / TP53	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5067-100-OG

Zytogenetik

Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs- material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz- tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
XL DLEU/LAMP	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5054-100-OG
XL TCRA/D	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5106-100-OG
XL IGH BA	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5107-100-OG
XL t(4;14)	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5064-100-OG
XL t(8;14) MYC/IGH DF 8cen	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5125-100-TC
XL t(11;14) MYEOV/IGH DF	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5111-100-OG
XL t(14;16) IGH/MAF DF	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5112-100-OG

## Zytogenetik

Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
XL t(14;18) IGH/BCL 2 DF	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5113-100-OG
XL t(14;20) IGH/MAFB DF	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5105-100-OG
XL CBFB/MYH11+	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5126-100-OG
XL CBFB	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5092-100-OG
XL TP53/17cen	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5103-100OG
XL Iso(17q)	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5048-100-OG
XL t(15;17) DF	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5086-100-OG

Zytogenetik

Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs- material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz- tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
XL MALT1 BA	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-6015-100-OG
XL 20q12/20qter plus	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5121-100-OG
XL RUNX1	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems	D-5096-100-OG
VYS CEP X /Y DNA	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	Abbott	7J20-50
Vysis LSI EGR1/D5S23, D5S721	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	Abbott	8L6820
Vysis LSI D7S522 SO/CEP 7 SG	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	Abbott	5N0820
Vysis LSI BCR,ABL ES DC	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	Abbott	8L5520

## Zytogenetik

Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestellnummer)
Vysis LSI TCF3/PBX1 DC DF	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	Abbott	01N24-020
<b>AML-FISH-Panel wenn keine Metaphasen:</b> XL MECOM, Vysis LSI EGR1/D5S23, XL t(6;9) DEK/ NUP214, D5S721, Vysis LSI D7S522 SO/CEP 7 SG, MYCamp, XL KMT2A, XL TP53/17cen, XL t(8;21) plus, XL CBFB	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems / Abbott	siehe FISH-Sonden
<b>MDS-FISH-Panel wenn keine Metaphasen:</b> Vysis LSI EGR1/D5S23, D5S721, Vysis LSI D7S522 SO/CEP 7 SG, MYCamp, XL TP53/17cen, 20q/ qter, VYS CEP X/Y	Knochenmark, peripheres Blut (je nach Infiltration)	nicht zutreffend	FISH	Mo-Fr	MetaSystems / Abbott	siehe FISH-Sonden

## 6. Molekulargenetik

Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestellnummer)
Screening Genfusionen: <b>RUNX1::RUNX1T1 (AML1-ETO)</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo-Fr	Biotype	Mentype® AML-plexQS PCR Amplification Kit (45-31220-0025)
Screening Genfusionen: <b>BCR::ABL1</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo-Fr	Biotype	Mentype® AML-plexQS PCR Amplification Kit (45-31220-0025)
Screening Genfusionen: <b>PICALM::MLLT10 (CALM-AF10)</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo-Fr	Biotype	Mentype® AML-plexQS PCR Amplification Kit (45-31220-0025)
Screening Genfusionen: <b>CBFB::MYH11</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo-Fr	Biotype	Mentype® AML-plexQS PCR Amplification Kit (45-31220-0025)
Screening Genfusionen: <b>DEK::NUP214 (DEK-CAN)</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo-Fr	Biotype	Mentype® AML-plexQS PCR Amplification Kit (45-31220-0025)
Screening Genfusionen: <b>KMT2A::MLLT4 (MLL-AF6)</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo-Fr	Biotype	Mentype® AML-plexQS PCR Amplification Kit (45-31220-0025)
Screening Genfusionen: <b>KMT2A::MLLT3 (MLL-AF9)</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo-Fr	Biotype	Mentype® AML-plexQS PCR Amplification Kit (45-31220-0025)

Molekulargenetik						
Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestellnummer)
Screening Genfusionen: <b>KMT2A::ELL (MLL-ELL)</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo-Fr	Biotype	Mentype® AML-plexQS PCR Amplification Kit (45-31220-0025)
Screening Genfusionen: <b>KMT2A-PTD (MLL-PTD)</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo-Fr	Biotype	Mentype® AML-plexQS PCR Amplification Kit (45-31220-0025)
Screening Genfusionen: <b>NPM1::MLF1</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo-Fr	Biotype	Mentype® AML-plexQS PCR Amplification Kit (45-31220-0025)
Screening Genfusionen: <b>PML::RARA</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo-Fr	Biotype	Mentype® AML-plexQS PCR Amplification Kit (45-31220-0025)
Mutationsstatus <b>FLT3-ITD</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo, Do	LDT	nicht zutreffend
Mutationsstatus <b>FLT3-TKD</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo, Do	LDT	nicht zutreffend
Mutationsstatus <b>NPM1</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo, Do	LDT	nicht zutreffend

Molekulargenetik						
Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
Mutationsstatus <b>CEBPA-TAD1, CEBPA-TAD2, CEBPA-bZIP</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo, Do	LDT	nicht zutreffend
Mutationsstatus <b>CALR</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Fragmentlängenanalyse	Mo, Do	LDT	nicht zutreffend
Mutationsanalyse <b>IDH1</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Sanger-Sequenzierung	Di, Fr	LDT	nicht zutreffend
Mutationsanalyse <b>IDH2</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Sanger-Sequenzierung	Di, Fr	LDT	nicht zutreffend
Mutationsanalyse <b>NPM1</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Sanger-Sequenzierung	Di, Fr	LDT	nicht zutreffend
Mutationsanalyse <b>CEBPA-TAD1, CEBPA-TAD2, CEBPA-bZIP</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Sanger-Sequenzierung	Di, Fr	LDT	nicht zutreffend
Mutationsanalyse <b>MPL</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Sanger-Sequenzierung	Di, Fr	LDT	nicht zutreffend

Molekulargenetik						
Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs-material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz-tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
Mutationsanalyse <b>ABL1</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Sanger-Sequenzierung	Di, Fr	LDT	nicht zutreffend
Nachweis <b>JAK2 V617F</b> , quantitativ	Knochenmark, peripheres Blut	nicht zutreffend	ddPCR	Mo	LDT	nicht zutreffend
Nachweis <b>NPM1</b> (Typ A, B, D, DD-6*, DD-9*, Gm), quantitativ	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	ddPCR	Di, Mi	LDT	nicht zutreffend
Nachweis <b>cKIT D816V</b> , quantitativ	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	ddPCR	Di, Mi	LDT	nicht zutreffend
Nachweis Genfusionen, quantitativ: <b>RUNX1::RUNX1T1 (AML1-ETO)</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	qPCR	Mo-Fr	LDT	nicht zutreffend
Nachweis Genfusionen, quantitativ: <b>CBFB::MYH11</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	qPCR	Mo-Fr	LDT	nicht zutreffend
Nachweis Genfusionen, quantitativ: <b>PML::RARA</b>	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	qPCR	Mo-Fr	LDT	nicht zutreffend

Molekulargenetik						
Untersuchungsverfahren / Analyt / Meßgröße	Untersuchungs- material (Art und Menge)	Präanalytik/ Hinweise	Methode	Ansatz- tage	Hersteller (oder Angabe LDT)	genaue Bezeichnung des verwendeten Assays (ggf. Bestell-nummer)
Nachweis <b>BCR-ABL1</b> quantitativ (bruchpunktspezifisch)	Knochenmark, peripheres Blut	nicht zutreffend	qPCR	Di	LDT	nicht zutreffend
Screening <b>BCR-ABL1</b> , qualitativ gesamt	Knochenmark, peripheres Blut	nicht zutreffend	PCR	Mo-Fr	LDT	nicht zutreffend
<b>NGS-Panel MDS/AML und NHL</b> (inkl. ELN-Risikomarker und IPSS-M Marker)	Knochenmark (bevorzugt), peripheres Blut	nicht zutreffend	Next Generation Sequenzing	Mi	LDT	Haloplex Target Enrichment (G9901B), Illumina (MS-102-2003)

## Zielregionen NGS-Panel:

Kern-Zielregion\*: Gen (RefSeq-Transkript ID): ASXL1 (NM\_015338), BCOR (NM\_001123385), BRAF (NM\_004333), CALR (NM\_004343), CBL (NM\_005188), CEBPA (NM\_004364), DNMT3A (NM\_022552), ETNK1 (NM\_018638), ETV6 (NM\_001987), EZH2 (NM\_004456), FLT3# (NM\_004119), GATA2 (NM\_032638.4), IDH1# (NM\_005896.4), IDH2# (NM\_002168.4), JAK2 (NM\_004972.4), KIT# (NM\_000222.2), KRAS# (NM\_004985), MPL# (NM\_005373), NPM1# (NM\_002520), NRAS# (NM\_002524), PPM1D (NM\_003620), PTPN11 (NM\_002834), RUNX1 (NM\_001754), SETBP1 (NM\_015559), SF3B1 (NM\_012433), SRSF2# (NM\_003016), STAG2 (NM\_001042749), TET2 (NM\_001127208), TP53 (NM\_000546), U2AF1 (NM\_001025203), WT1 (NM\_024426), ZRSR2 (NM\_005089).

Weitere untersuchte Gene: ANKRD26, ASXL2#, BAX, BCL2#, BCORL1, BRCC3, BTK#, CCND1#, CCND2#, CDKN2A, CSF3R, CSF1R#, CSNK1A1#, CXCR4#, DDX41, GATA1#, GNB1, IL7R#, JAK1#, JAK3, MEN1, MYC#, MYD88#, NF1, NFE2, NOTCH1#, NT5C2, PHF6#, PIGA, PRPF8, RAD21, SH2B3, SRP72, STAT3#, STAT5B#, TERC, TERT, UBA1, XPO1#, ZBTB33, ZBTB7A.

# Von den so gekennzeichneten Genen wurden nur bestimmte, häufig von Varianten betroffene Regionen ("hotspots") untersucht.

\* Genaue Angaben zu den genomischen Regionen aller befundeten Genabschnitte erhalten Sie auf Anfrage von uns.